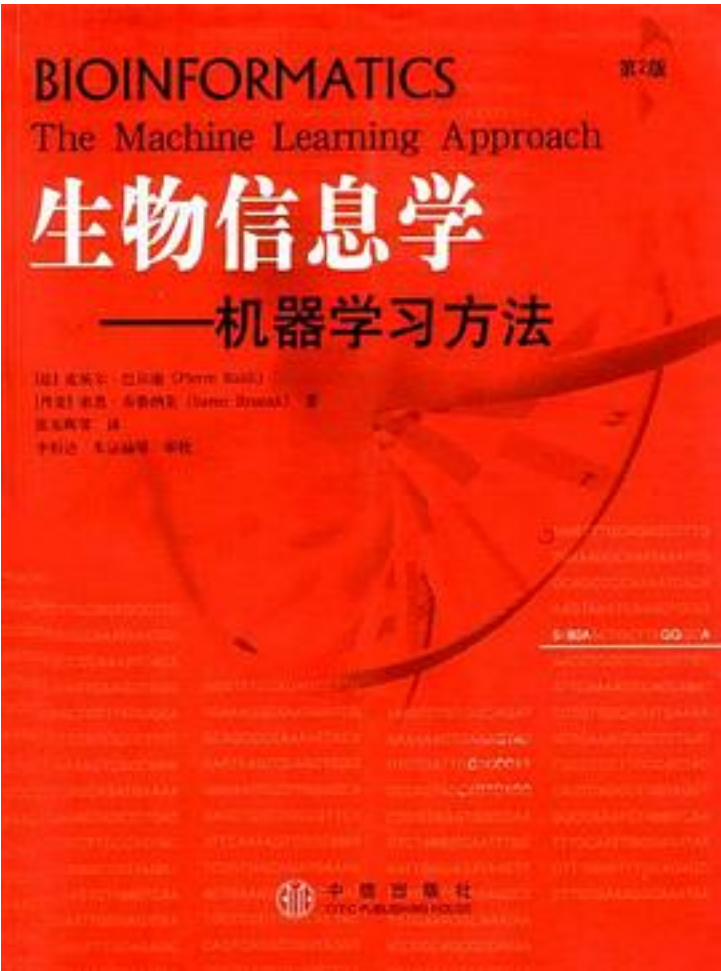


生物信息学



[生物信息学_下载链接1](#)

著者:[美] D.W.芒特

出版者:高等教育出版社

出版时间:2003-09-01

装帧:平装

isbn:9787040121872

本书继承了冷泉港实验室出版物一贯的权威、经典的风格，全面涵盖了所有在序列及基因组分析中最重要的问题，主要是为了帮助读者理解序列和结构分析的技术，主要目的

就是让读者体会程序背后所运用的算法，这种算法是建立在何种假设上的，这些技术的局限性以及使用这些技术的策略。全书内容包括：1. 历史介绍及概述；2. 实验室中序列的提取和储藏；3. 成对序列对位排列；4. 多序列对位排列；5. RNA二级结构的预测；6. 系统发育预测；7. 数据库搜索相似序列；8. 基因预测；9. 蛋白质分类和结构预测；10. 基因组分析。书后附有大量词汇和索引辅助阅读。本书可作为实验参考书、生物信息学课程的教科书，供生物技术和生物工程专业的高年级本科生、研究生以及相关专业的学生作为生物信息学的教材使用。

作者介绍:

1. 历史介绍及概述；
2. 实验室中序列的提取和储藏；
3. 成对序列对位排列；
4. 多序列对位排列；
5. RNA二级结构的预测；
6. 系统发育预测；
7. 数据库搜索相似序列；
8. 基因预测；
9. 蛋白质分类和结构预测；
10. 基因组分析。

目录:

[生物信息学 下载链接1](#)

标签

科学

生物信息学

生物学

生物

计算机

计算

生物學

生命科学

评论

曾经一段时间专注自学的一本书

看看

不知道为什么，我看这本书感觉就像天书！我身为生信专业，看不懂确实很说不通，但是就是看不懂啊！翻译的语言艰涩难懂，再加上很多概念也很抽象，看得我几近崩溃…
…入门者慎看！！

[生物信息学_下载链接1](#)

书评

[生物信息学_下载链接1](#)