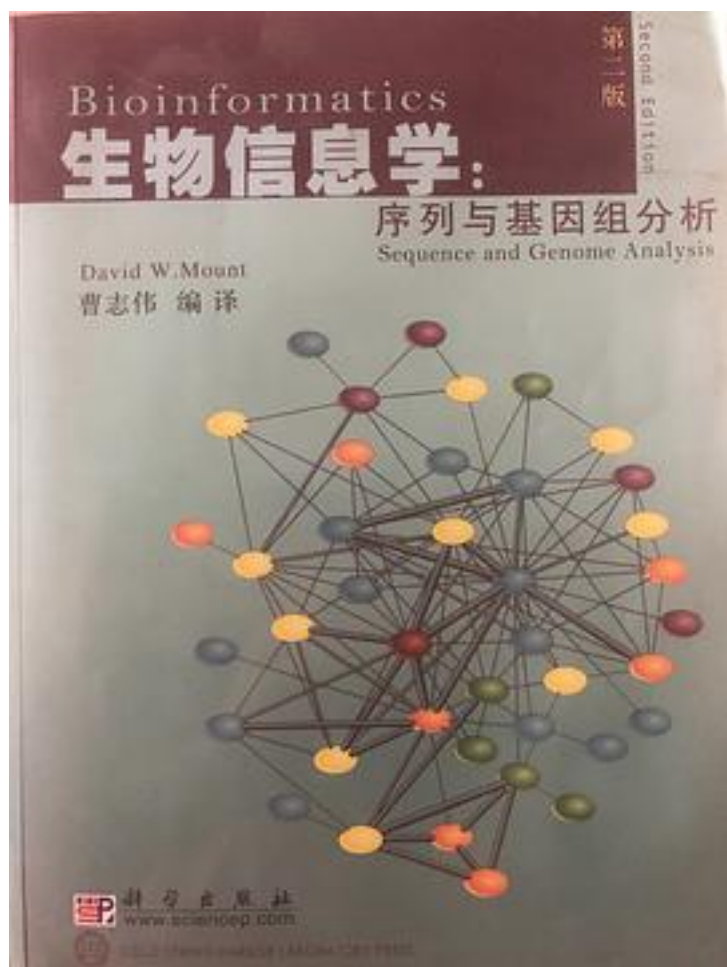


# 生物信息学：序列与基因组分析（第二版）



[生物信息学：序列与基因组分析（第二版）\\_下载链接1](#)

著者: (美) David W · Mount 芒特, 曹志伟 编译

出版者: 科学出版社

出版时间: 2006-10-1

装帧: 平装

isbn: 9787030176400

随着越来越多物种的基因组被测序，这些数据的计算分析变得越来越重要。《生物信息学：序列与基因组分析》应用数学方法分析DNA和蛋白质序列，Mount

认为利用计算机程序进行运算的工作者应该理解这些程序是如何运行的。所以，他强调对运算法及这些法则与策略局限性的理解。每章都有计算的流程图，网站上还提供了与书中一致的表格和一些运算程序。

第二版对本书进行了全面知识更新，本版的读者群更加广泛，包括本科生、研究生。新版书中加入了导读、信息提示和词汇，利于初学者学习。新加入一章内容，包括序列的统计分析、生物信息学程序、数据管理与挖掘。每章后的问题实例分析更增加了本书的实用性。

作者：（美）芒特 编译：曹志伟

图书目录

CHAPTER 1 历史简介和概论

CHAPTER 2 Collecting and Storing Sequences in the Laboratory

CHAPTER 3 Alignment of Pairs of Sequences

CHAPTER 4 Introduction to Probability and Statistical Analysis of Sequence Alignments

CHAPTER 5 Multiple Sequence Alignment

CHAPTER 6 Sequence Database Searching for Similar Sequences

CHAPTER 7 Phylogenetic Prediction

CHAPTER 8 Prediction of RNA Secondary Structure

CHAPTER 9 Gene Prediction and Regulation

CHAPTER 10 Protein Classification and Structure Prediction

CHAPTER 11 Genome Analysis

CHAPTER 12 Bioinformatics Programming Using Perl and Perl Modules

CHAPTER 13 Analysis of Microarrays

Index

作者介绍:

目录:

[生物信息学：序列与基因组分析（第二版）\\_下载链接1](#)

标签

评论

-----  
[生物信息学：序列与基因组分析（第二版） 下载链接1](#)

书评

-----  
[生物信息学：序列与基因组分析（第二版） 下载链接1](#)