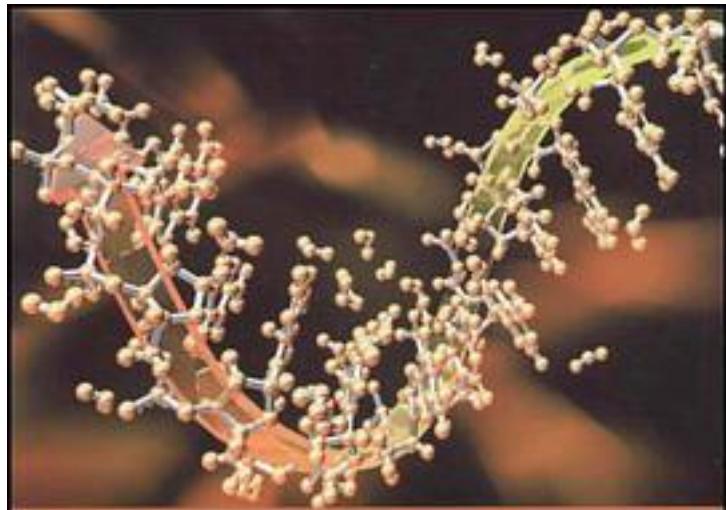


生物信息学应用技术



• 以生物化学分子生物学中的经典案例为素材，使将生物信息学不仅仅只是“枯燥”的计算机阅读，而是跟熟悉不过的生物学问题。 • “step by step”式的工具软件操作流程和相应的使用说明自学。 • 耗时10分钟完成的一个案例，打开了解生物大分子三维结构的操作演示与详细技术。 • 提供共享软件资源与系列的网页地址(www.biosim.scs.uak.edu)，为您提供下载链接。 • 合成“Xigle”和“Reference Manager”软件，将数据组织和文献分析联系。

生物信息学应用技术

◎ 王禄山 高培基 主编

化学工业出版社
生物·医药·出版分社

[生物信息学应用技术 下载链接1](#)

著者:

出版者:

出版时间:2008-1

装帧:

isbn:9787122010766

本书从生物大分子转化成生物数据（残基序列、原子坐标等）过程开始，介绍了生物信

息数据及其存放的格式、数据库的分析工具与检索策略；结合当前生物信息学技术发展趋势，全书按照序列—>结构—>动力学—>功能的思路进行组织，为读者认识与分析生物学规律提供新的思路；背景、原理、方法和分析操作相结合，是一本实用的生物信息学试验手册与操作指南。

本书取材精当，讲述简明，面向生命科学个专业及部分基础医学的读者，可供攻打生物信息学入门及提高的读者参考使用。

作者介绍:

目录:

[生物信息学应用技术 下载链接1](#)

标签

生物学

评论

[生物信息学应用技术 下载链接1](#)

书评

[生物信息学应用技术 下载链接1](#)