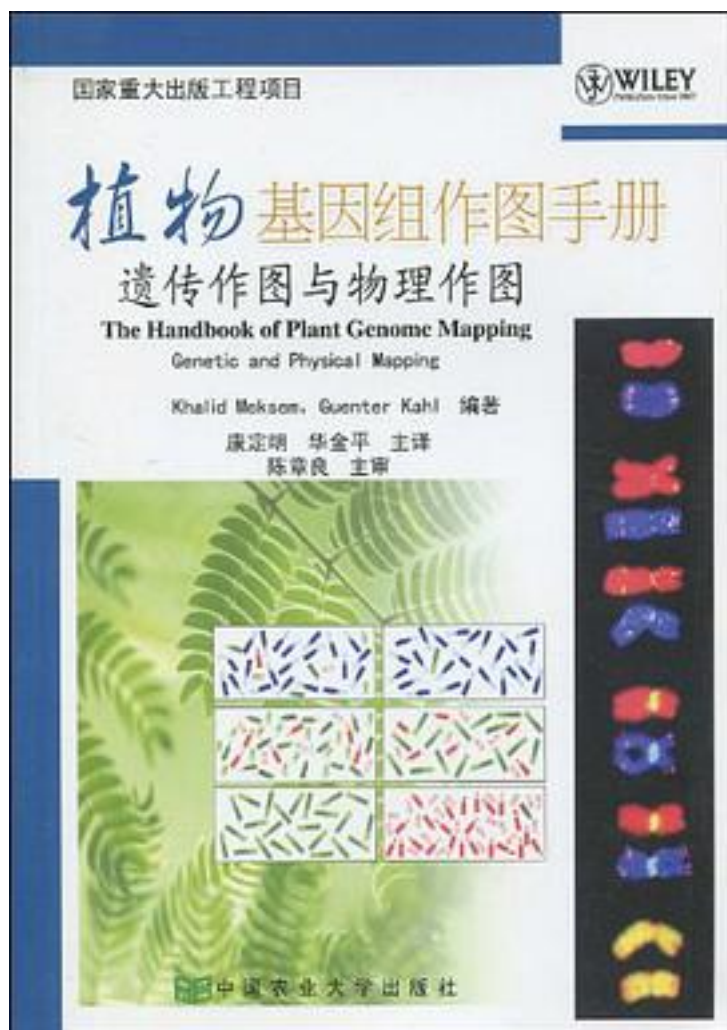


植物基因组作图手册



[植物基因组作图手册_下载链接1](#)

著者:

出版者:

出版时间:2010-2

装帧:

isbn:9787811177886

《植物基因组作图手册:遗传作图与物理作图》主要内容简介：在模式生物，如多个细

菌、古细菌、小鼠和人等全基因组的序列完成后，公众已经对生物全基因组序列给予了广泛注意，而对植物基因组的诠释却大大滞后了，直到目前只有拟南芥(*Arabidopsis thaliana*)和水稻(*Oryza sativa*)完成了测序。尽管公众对动物和人的基因组更加关注，但是详细了解作物基因组的组成，对于了解生命的起源与规律等基础理论研究，以及农业和工业等多个研究与应用领域，特别是作物育种，包括进化遗传学、生物技术和食品科学等领域的研究具有重要的意义。同时，完成多种植物的全基因组测序对更深入地理解生物多样性和基因在不同作物间排列具有共线性也非常重要。

基因组作图手册是市场上关于这个领域研究的第一本书，这本书相当详细地覆盖了这个领域的热点主题，通过物理作图和遗传作图的结合将本领域的研究主题分开叙述。全书从头到尾，每章都先从容易读懂的介绍开始，同时也考虑了非本专业工作者和新加入这个研究领域的研究者的需要，在书中每章后都附有相关内容的参考文献，供进一步详细查阅。这本书不仅是一本非常好的实验室的参考书，同时这本书也是一本优秀的教材。对于有志于学习或教授基因组学，特别是计划教授基因组作图的老师，尤其是针对植物基因组作图，将是一本不可多得的教材。《植物基因组作图手册:遗传作图与物理作图》对于指导作图实践，以及偶尔需要进行植物基因组的遗传和物理作图，也是一本最新的指南。

Khalid Meksem是南伊利诺依大学植物土壤和农业系(the Department of Plant, Soil & General Agriculture of Southern Illinois University)的助理教授。在Cologne大学获得博士学位以后，在1996年年底加入南伊利诺依大学。他的主要研究兴趣在以下领域：

- 大豆的基因组学分析工具
- BAC和物理图谱：物理图谱构建和整合
- 大豆包囊线虫病抗性基因
- 植物病原基因组学
- 开发国际和国内植物结构基因组学和功能基因组学的科学网络

Khalid Meksem是Günter Kahl是德国法兰克福(Frankfurt am Main)的Johann Wolfgang Goethe大学的植物分子生物学教授。在获得植物生物化学的博士学位后，他在美国East Lansing的密执安州立大学(Michigan State University)做了两年博士后，同Pasadena的加利福尼亚理工学院(California Institute of Technology)的Joe Varner教授和James Bonner教授一起做研究。他的主要研究兴趣在以下领域：

- 遗传和物理作图，以及植物防御基因和它们启动子的分离和定性
- 植物基因组分析
- 表达谱分析

由于工作的国际性质，Kahl教授与欧洲、日本、美国、叙利亚、印度和南美洲等的一系列研究机构合作。他也服务于国际原子能机构(IAEA)、联合国粮农组织(FAO)和联合国教科文组织(UNESCO)等多个国际组织和国家。

作者介绍:

目录:

[植物基因组作图手册_下载链接1_](#)

标签

自然科学

生物学

植物

评论

通篇都是谷歌翻译，译者你们还是去死吧

[植物基因组作图手册_下载链接1_](#)

书评

[植物基因组作图手册_下载链接1_](#)